

Документ подписан простой электронной подписью
Информация о владельце:
ФИО: Ястребов Олег Александрович
Должность: Ректор
Дата подписания: 20.05.2025 15:49:13
Уникальный программный ключ:
sa953a0120d891083f939673078ef1a989dae18a

**Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования
«Российский университет дружбы народов имени Патриса Лумумбы»
Аграрно-технологический институт**
(наименование основного учебного подразделения (ОУП)-разработчика ОП ВО)

РАБОЧАЯ ПРОГРАММА ДИСЦИПЛИНЫ

ВВЕДЕНИЕ В БИОИНФОРМАТИКУ

(наименование дисциплины/модуля)

Рекомендована МССН для направления подготовки/специальности:

06.05.01 БИОИНЖЕНЕРИЯ И БИОИНФОРМАТИКА

(код и наименование направления подготовки/специальности)

Освоение дисциплины ведется в рамках реализации основной профессиональной образовательной программы высшего образования (ОП ВО):

БИОИНЖЕНЕРИЯ И БИОИНФОРМАТИКА

(наименование (профиль/специализация) ОП ВО)

2025 г.

1. ЦЕЛЬ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ

Дисциплина «Введение в биоинформатику» входит в программу специалитета «Биоинженерия и биоинформатика» по направлению 06.05.01 «Биоинженерия и биоинформатика» и изучается в 6 семестре 3 курса. Дисциплину реализует Агробиотехнологический департамент. Дисциплина состоит из 3 разделов и 15 тем и направлена на изучение вычислительных инструментов и статистических методов для понимания сложных биологических данных и выявления молекулярных структур, функций и эволюции.

Целью освоения дисциплины является формирование представлений о предмете и основных концепциях биоинформатики, объектах изучения, методах и алгоритмах получения, представления и анализа данных.

2. ТРЕБОВАНИЯ К РЕЗУЛЬТАТАМ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ

Освоение дисциплины «Введение в биоинформатику» направлено на формирование у обучающихся следующих компетенций (части компетенций):

Таблица 2.1. Перечень компетенций, формируемых у обучающихся при освоении дисциплины (результаты освоения дисциплины)

Шифр	Компетенция	Индикаторы достижения компетенции (в рамках данной дисциплины)
УК-12	Способен: искать нужные источники информации и данные, воспринимать, анализировать, запоминать и передавать информацию с использованием цифровых средств, а также с помощью алгоритмов при работе с полученными из различных источников данными с целью эффективного использования полученной информации для решения задач; проводить оценку информации, ее достоверность, строить логические умозаключения на основании поступающих информации и данных	УК-12.1 Проводит оценку информации, ее достоверность, строит логические умозаключения на основании поступающих информации и данных;
УК-6	Способен определять и реализовывать приоритеты собственной деятельности и способы ее совершенствования на основе самооценки и образования в течение всей жизни	УК-6.2 Выстраивает гибкую профессиональную траекторию, используя инструменты непрерывного образования, с учетом накопленного опыта профессиональной деятельности и динамично изменяющихся требований рынка труда;
ОПК-2	Способен использовать специализированные знания фундаментальных разделов математики, физики, химии и биологии для проведения исследований в области биоинженерии, биоинформатики и смежных дисциплин (модулей);	ОПК-2.1 Знает методики и алгоритмы проведения исследований в области биоинженерии, биоинформатики и смежных дисциплин;
ОПК-5	Способен находить и	ОПК-5.1 Умеет работать с базами данных по биологическим

Шифр	Компетенция	Индикаторы достижения компетенции (в рамках данной дисциплины)
	использовать информацию, накопленную в базах данных по биологическим объектам, включая нуклеиновые кислоты и белки, владеть основными биоинформатическими средствами анализа;	объектам;
ОПК-7	Способен понимать принципы работы современных информационных технологий и использовать их для решения задач профессиональной деятельности;	ОПК-7.3 Владеть навыками применения современных информационных технологий и программных средств при решении задач биоинформатики и биоинженерии;

3. МЕСТО ДИСЦИПЛИНЫ В СТРУКТУРЕ ОП ВО

Дисциплина «Введение в биоинформатику» относится к обязательной части блока 1 «Дисциплины (модули)» образовательной программы высшего образования.

В рамках образовательной программы высшего образования обучающиеся также осваивают другие дисциплины и/или практики, способствующие достижению запланированных результатов освоения дисциплины «Введение в биоинформатику».

Таблица 3.1. Перечень компонентов ОП ВО, способствующих достижению запланированных результатов освоения дисциплины

Шифр	Наименование компетенции	Предшествующие дисциплины/модули, практики*	Последующие дисциплины/модули, практики*
УК-12	Способен: искать нужные источники информации и данные, воспринимать, анализировать, запоминать и передавать информацию с использованием цифровых средств, а также с помощью алгоритмов при работе с полученными из различных источников данными с целью эффективного использования полученной информации для решения задач; проводить оценку информации, ее достоверность, строить логические умозаключения на основании поступающих информации и данных	Biostatistics; Теория вероятностей и математическая статистика;	Компьютерные технологии в научных исследованиях; Математическое моделирование в биологии; <i>Технологии и практика программирования на языке Python для гуманитарных специальностей**</i> ; <i>Язык R и его применение в биоинформатике**</i> ; <i>Программное обеспечение для биоинформатики**</i> ; Практическая биоинформатика; Биоинформатика и системная биология; <i>Инфографика и технология презентаций**</i> ; Проектно-технологическая практика;
УК-6	Способен определять и реализовывать приоритеты собственной деятельности и способы ее совершенствования на основе самооценки и образования в течение всей жизни	<i>Психология и педагогика**</i> ;	Генная инженерия с основами проектной деятельности;

Шифр	Наименование компетенции	Предшествующие дисциплины/модули, практики*	Последующие дисциплины/модули, практики*
ОПК-2	Способен использовать специализированные знания фундаментальных разделов математики, физики, химии и биологии для проведения исследований в области биоинженерии, биоинформатики и смежных дисциплин (модулей);	<i>Теория вероятностей и математическая статистика; Biostatistics; Высшая математика; Физика; Общая и неорганическая химия; Аналитическая химия; Органическая химия; Физическая и коллоидная химия; Физиология животных и человека; Физиология растений; Генетика; Биохимия;</i>	
ОПК-5	Способен находить и использовать информацию, накопленную в базах данных по биологическим объектам, включая нуклеиновые кислоты и белки, владеть основными биоинформатическими средствами анализа;	<i>Программирование;</i>	
ОПК-7	Способен понимать принципы работы современных информационных технологий и использовать их для решения задач профессиональной деятельности;	<i>Программирование;</i>	Алгоритмы в биоинформатике; Проектно-технологическая практика;

* - заполняется в соответствии с матрицей компетенций и СУП ОП ВО

** - элективные дисциплины /практики

4. ОБЪЕМ ДИСЦИПЛИНЫ И ВИДЫ УЧЕБНОЙ РАБОТЫ

Общая трудоемкость дисциплины «Введение в биоинформатику» составляет «5» зачетных единиц.

Таблица 4.1. Виды учебной работы по периодам освоения образовательной программы высшего образования для очной формы обучения.

Вид учебной работы	ВСЕГО, ак.ч.		Семестр(-ы)
			6
Контактная работа, ак.ч.	90		90
Лекции (ЛК)	36		36
Лабораторные работы (ЛР)	54		54
Практические/семинарские занятия (СЗ)	0		0
Самостоятельная работа обучающихся, ак.ч.	81		81
Контроль (экзамен/зачет с оценкой), ак.ч.	9		9
Общая трудоемкость дисциплины	ак.ч.	180	180
	зач.ед.	5	5

5. СОДЕРЖАНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ

Таблица 5.1. Содержание дисциплины (модуля) по видам учебной работы

Номер раздела	Наименование раздела дисциплины	Содержание раздела (темы)		Вид учебной работы*
Раздел 1	Основные базы и банки данных биоинформатики. Российские «пионеры» профессии и отрасли (Лайнус Полинг, Анализ последовательностей глобинов нескольких позвоночных, гипотеза молекулярных часов, Маргарет Дейхофф, Однобуквенный код аминокислот A,C,D,E,F,G,H..., матрицы аминокислотных замен PAM, и др.). Современные российские лидеры профессии и отрасли (Амос Байрох, Руководитель группы Swiss-Prot, Павел Яковлев — вице-президент по ранней разработке и исследованиям компании BIOCAD, Екатерина Храмеева — профессор Центра молекулярной и клеточной биологии «Сколтеха», и др.)	1.1	Основные базы и банки данных биоинформатики. Поиск информации о заданном гене в различных базах данных, сопоставление результатов. NCBI, EBI, UCSC Genome Browser, National Genomic Data Center (China). Российские «пионеры» профессии и отрасли (Лайнус Полинг, Анализ последовательностей глобинов нескольких позвоночных, гипотеза молекулярных часов, Маргарет Дейхофф, Однобуквенный код аминокислот A,C,D,E,F,G,H..., матрицы аминокислотных замен PAM, и др.). Современные российские лидеры профессии и отрасли (Амос Байрох, Руководитель группы Swiss-Prot, Павел Яковлев — вице-президент по ранней разработке и исследованиям компании BIOCAD, Екатерина Храмеева — профессор Центра молекулярной и клеточной биологии «Сколтеха», и др.)	ЛК, ЛР
		1.2	Поиск биомедицинской информации в базах данных (PubMed, РИНЦ). Поиск публикаций по фамилии, тематике, ключевым словам. Поиск биомедицинской информации, статей с описанием функций генов, белков, заболеваний. Самостоятельное построение таблиц результатов	ЛК, ЛР
Раздел 2	Методы работы с последовательностями макромолекул	2.1	Выравнивание последовательностей генетических макромолекул. Поиск и визуализация повторов DotPlot. Результат – компьютерная реконструкция графики.	ЛК, ЛР
		2.2	Парное и множественное выравнивание. Использование пакета CLUSTAL, построение филогенетического дерева	ЛК, ЛР
		2.3	Поиск последовательностей в базах данных. FASTA и BLAST. Поиск гомологии с помощью программ FASTA, BLAST и BLAT (BLAST-like alignment tool).	ЛК, ЛР
		2.4	Понятие филогенетического дерева. Анализ эволюции генов и видов. Построение филогенетического дерева по набору последовательностей белков и генов, используя различные программы филогении.	ЛК, ЛР
		2.5	Построение филогенетических деревьев. Пакеты CLUSTAL, MEGA. Построение филогенетических деревьев - CLUSTAL. Tree Plot, NGPhylogeny.fr, PhyML, MEGA. iTOL. Сравнение полученных результатов (рисунков).	ЛК, ЛР
		2.6	Структура гена и генома. Повторы в ДНК. Сложность и энтропия текста. Задачи поиска повторов в последовательности заданного гена (получить последовательность из банков	ЛК, ЛР

Номер раздела	Наименование раздела дисциплины	Содержание раздела (темы)		Вид учебной работы*
			данных, разобранных ранее). Поиск повторов в геноме используя- REPuter, Complexity, TRF. Предсказание структуры гена. Использование ресурсов Softberry.com, UGENE.	
		2.7	Вторичная структура РНК. Визуализация структуры РНКс помощью пакетов ViennaRNA RNAfold, MFold, RNAstructure	ЛК, ЛР
		2.8	Вторичная и третичная структура белка. Поиск структуры белка, визуализация вторичной структуры белка из UniProt, банка данных PDB	ЛК, ЛР
		2.9	Базы данных структурной и функциональной аннотации белков. Классификация структур белков и доменов по базам SCOP, CATH. Компьютерная визуализация типа укладки домена белка (из баз данных и предсказанной по гомологии).	ЛК, ЛР
Раздел 3	Системно-биологические подходы.	3.1	Генные сети. Реконструкция генной сети по списку генов STRING-DB, GeneMANIA, Cytoscape. Визуализация сетей KEGG, Reactome. Использование GeneCards.org, MalaCards.org для представления связи между заболеваниями по структуре сети.	ЛК, ЛР
		3.2	Генные онтологии. Определение категорий генных онтологий для списка генов с помощью ресурсов DAVID и PANTHER.	ЛК, ЛР
		3.3	Высокопроизводительное секвенирование ДНК и базы данных. GEO NCBI. Компьютерное построение кластеров дифференциально экспрессирующихся генов на основе GEO NCBI (Gene Expression Omnibus). Поиск информации о клинически значимых вариантах последовательностей генома – ClinVar, dbSNP, OMIM.	ЛК, ЛР
		3.4	Геномные браузеры (навигаторы) NCBI, UCSC, Ensembl. Визуализация положения заданного гена на хромосоме с помощью UCSC Genome Browser. Подготовка данных выборок Table Browser. Визуализация расположения сайтов связывания транскрипционных факторов.	ЛК, ЛР

* - заполняется только по **ОЧНОЙ** форме обучения: ЛК – лекции; ЛР – лабораторные работы; СЗ – практические/семинарские занятия.

6. МАТЕРИАЛЬНО-ТЕХНИЧЕСКОЕ ОБЕСПЕЧЕНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ

Таблица 6.1. Материально-техническое обеспечение дисциплины

Тип аудитории	Оснащение аудитории	Специализированное учебное/лабораторное оборудование, ПО и материалы для освоения дисциплины (при необходимости)
Лекционная	Аудитория для проведения занятий лекционного типа, оснащенная комплектом специализированной мебели; доской (экраном) и техническими средствами мультимедиа презентаций.	Учебная аудитория для проведения занятий лекционного типа, практических занятий, групповых и

		индивидуальных консультаций, текущего контроля и промежуточной аттестации. Комплект специализированной мебели; технические средства: Интерактивный комплекс - интерактивная доска Triumph Board с проектором Optoma. Виртуальный лабораторный практикум «Физикон». Программное обеспечение: продукты Microsoft (ОС, пакет офисных приложений, в т.ч. MS Office/Office 365, Teams).
Компьютерный класс	Компьютерный класс для проведения занятий, групповых и индивидуальных консультаций, текущего контроля и промежуточной аттестации, оснащенная персональными компьютерами (в количестве 18 шт.), доской (экраном) и техническими средствами мультимедиа презентаций.	Компьютерный класс для проведения занятий лекционного типа, практических занятий, текущего контроля и промежуточной аттестации. Комплект специализированной мебели; технические средства (16 рабочих мест): Интерактивный комплекс - интерактивная доска Triumph Board с проектором Optoma. Виртуальный лабораторный практикум «Физикон». Программное обеспечение: продукты Microsoft (ОС, пакет офисных приложений, в т.ч. MS Office/Office 365, Teams).
Для самостоятельной работы	Аудитория для самостоятельной работы обучающихся (может использоваться для проведения семинарских занятий и консультаций), оснащенная комплектом специализированной мебели и компьютерами с доступом в ЭИОС.	Компьютерный класс для проведения занятий лекционного типа, практических занятий, текущего контроля и промежуточной аттестации. Комплект специализированной мебели; технические средства (10 рабочих мест): Интерактивный

		комплекс - интерактивная доска Triumph Board с проектором Optoma. Виртуальный лабораторный практикум «Физикон». Программное обеспечение: продукты Microsoft (ОС, пакет офисных приложений, в т.ч. MS Office/Office 365, Teams).¶
--	--	--

* - аудитория для самостоятельной работы обучающихся указывается **ОБЯЗАТЕЛЬНО!**

7. УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКОЕ И ИНФОРМАЦИОННОЕ ОБЕСПЕЧЕНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ

Основная литература:

1. Компо, Ф. Алгоритмы биоинформатики / Ф. Компо, П. Певзнер ; перевод с английского И. Л. Люско.. — Москва : ДМК Пресс, 2023. — 682 с. — ISBN 978-5-93700-175-7. — Текст : электронный // Лань : электронно-библиотечная система. — URL: <https://e.lanbook.com/book/314972>
2. Часовских Н.Ю. Биоинформатика : учебник / Н. Ю. Часовских. - Электронные текстовые данные. - Москва : ГЭОТАР-Медиа, 2020. - 352 с. : ил. URL: https://lib.rudn.ru/MegaPro/UserEntry?Action=Link_FindDoc&id=497943&idb=0
3. Основные начала молекулярной биологии: учеб. пособие. / Г.М.Дымшиц, О.В.Саблина; Новосиб. гос. ун-т. - Новосибирск: ИПЦ НГУ, 2020. - 196 с
4. Введение в информационную биологию и биоинформатику: В 5 т.: Учеб. Пособие / Отв. ред. Н.А.Колчанов, О.В. Вишневский, Д.Р. Фурман. Новосиб. гос. ун-т. Новосибирск, 2012-2020. Т. 4. 336 с

Дополнительная литература:

1. Володченкова, Л. А. Биоинформатика : учебное пособие : [16+] / Л. А. Володченкова ; Омский государственный университет им. Ф. М. Достоевского. – Омск : Омский государственный университет им. Ф.М. Достоевского (ОмГУ), 2018. – 44 с. : ил. – Режим доступа: по подписке. – URL: <https://biblioclub.ru/index.php?page=book&id=563147>
2. Игناسимуту С. Основы биоинформатики. Москва-Ижевск, 2007

Ресурсы информационно-телекоммуникационной сети «Интернет»:

1. ЭБС РУДН и сторонние ЭБС, к которым студенты университета имеют доступ на основании заключенных договоров
 - Электронно-библиотечная система РУДН – ЭБС РУДН <https://mega.rudn.ru/MegaPro/Web>
 - ЭБС «Университетская библиотека онлайн» <http://www.biblioclub.ru>
 - ЭБС Юрайт <http://www.biblio-online.ru>
 - ЭБС «Консультант студента» www.studentlibrary.ru
 - ЭБС «Знаниум» <https://znanium.ru/>
2. Базы данных и поисковые системы
 - Sage <https://journals.sagepub.com/>
 - Springer Nature Link <https://link.springer.com/>
 - Wiley Journal Database <https://onlinelibrary.wiley.com/>
 - Научометрическая база данных Lens.org <https://www.lens.org>

Учебно-методические материалы для самостоятельной работы обучающихся при освоении дисциплины/модуля:*

1. Курс лекций по дисциплине «Введение в биоинформатику».

* - все учебно-методические материалы для самостоятельной работы обучающихся размещаются в соответствии с действующим порядком на странице дисциплины **в ТУИС!**

РАЗРАБОТЧИК:

Профессор
агробиотехнологического
департамента

Должность, БУП

Подпись

Орлов Юрий Львович

Фамилия И.О.

РУКОВОДИТЕЛЬ БУП:

Директор
агробиотехнологического
департамента, профессор

Должность, БУП

Подпись

Пакина Елена Николаевна

Фамилия И.О.

РУКОВОДИТЕЛЬ ОП ВО:

Директор
агробиотехнологического
департамента, профессор

Должность, БУП

Подпись

Пакина Елена Николаевна

Фамилия И.О.